

Proteins of mineralized tooth enamel matrix

Cerny R

Proteiny mineralizované matrix zubní skloviny

Abstract

Cerny R:

Proteins of tooth enamel mineralized matrix.
Bratisl Lek Listy 2000; 101 (5): 288–293

The organic matrix of the developing enamel is highly heterogeneous, comprising proteins derived from a number of different genes, including amelogenin, enamelin, ameloblastin, tuftelin, dentine sialophosphoprotein, enzymes and serum proteins. Each of these classes appears to undergo post-secretory sequential degradation which contributes towards further matrix heterogeneity. Possible functions of these proteins are discussed. Proteins of the organic matrix are presumed to play an important role in the modulation of mineral deposition and growth during tooth morphogenesis but the precise functions of individual matrix proteins remain unclear. (Tab. 1, Fig. 2, Ref. 47)

Key words: enamel proteins, amelogenin, ameloblastin, enamelin, tuftelin, sequence.

Abstrakt

Černý R.:

Proteiny mineralizované matrix zubní skloviny
Bratisl. lek. Listy, 101, 2000, č. 5, s. 288–293

Organická matrix vyvíjející se zubní skloviny je vysoko heterogenní, neboť obsahuje proteiny produkované řadou různých genů, mj. amelogenin, enamelin, ameloblastin, tuftelin, dentinový sialofosfoprotein, enzymy a sérové proteiny. Každý z uvedených druhů prochází postsekretorickou postupnou degradací, což přispívá k další heterogenitě. Je diskutována možná role těchto proteinů. O proteinech organické matrix se předpokládá, že hrají důležitou roli při modulaci formování minerálu a jeho růstu během morfogenese zuba, avšak přesná funkce jednotlivých proteinů zůstává nejasná. (Tab. 1, obr. 2, lit. 47.)

Klíčová slova: proteiny sklovinné matrix, amelogenin, ameloblastin, enamelin, tuftelin, sekvence.

Mineralizovaná tkáň se tvoří prostřednictvím agregace proteinů mezibuněčné hmoty a následným formováním apatitových krystalů. V kosti a chrupavce je vláknitá síť kolagenu a mnoha dalších proteinů v neustálé přestavbě, a to jak během vývoje, tak v důsledku hormonálních změn a mechanických podnětů. Stále probíhající resorpce a nová tvorba mezibuněčné hmoty společně se změnami buněk, které tuto hmotu syntetizují, vytváří složitý histologický obraz.

Ve vznikající zubní korunce se resorpce nevykystuje a výstavba tkaně je tedy jednoznačnější. Vznikají dva druhy mineralizované mezibuněčné hmoty, dentín (zubovina) a email (sklovina), které se tvoří tak, že přiléhají k příslušným buněčným vrstvám, které tvoří na straně dentinu odontoblasty a na straně emailu ameloblasty. Architektura dentinové mezibuněčné hmoty je založena na kolagenových fibrilách (Linde a Goldberg, 1993), avšak architektura mezibuněčné hmoty emailu je méně jasná. Mineralizace doprovází vznik emailové mezibuněčné hmoty, tj. není zde není zde jasná fáze formování nemineralizované mezibuněčné hmoty

jako je tomu v případě dentinu (Eisenmann, 1994). Je proto obtížné studovat proteinové „lešení“ emailu, které poskytuje oporu rostoucím apatitovým krystálům a které zahajuje proces mineralizace. Navzdory tomu je dnes již dost informací ohledně složek mezibuněčné hmoty, i když přesná role těchto komponent zůstává nejasná. Až doposud byly identifikovány následující proteiny emailové matrix.

Amelogenin

Amelogeniny představují hlavní objem organické matrix (90 %) produkované ameloblasty v sekreční fázi vývoje skloviny (Termine a spol., 1980). Amelogenin je nejprve sekernován jakožto nascentní protein o hmotnosti 25 kd (Fukae a spol., 1980), avšak jeho distribuce se omezuje na nově sekernovanou sklovинu na vnějším povrchu vrstvy ameloblastů. Je přeměňován relativně rychle na 20 kd amelogenin, který dominuje vnitřní sklovině (Brookes a spol., 1995; Fincham a Moradian-Oldak, 1995). I jeho pře-

Department of Biochemistry, Faculty of Medicine, Charles University, Plzen, Czech Republic.cerny@lf.cuni.cz

Address for correspondence: R. Cerny, MD, PhD, Dpt of Biochemistry, Faculty of Medicine, Karlovarská 48, CZ-301 66 Plzen, Czech Republic. Phone: +420.19.7597222 Fax: +420.19.521943

Ústav lékařské chemie a biochemie, lékařská fakulta University Karlovy v Plzni

Adresa: Doc. MUDr. R. Černý, CSc., Ústav lékařské chemie a biochemie LF UK, Karlovarská 48, 301 66 Plzeň.

měna však pokračuje, aby se vytvořily vysoce rozpustné 11—13 kD fragmenty (Aoba a spol., 1987a) a nerozpustný „tyrosinem bohatý amelogeninový peptid“ (TRAP) (Aoba a spol., 1987 a; Fincham a spol., 1982). Konečná úprava patrně spočívá v tvorbě velmi malých peptidů a volných aminokyselin, které se postupně z tkáně ztrácejí. Heterogenní charakter amelogeninů je zdůrazněn alternativním sestřihem mRNA (Gibson a spol., 1991; Lau a spol., 1992; Simmer a spol., 1994) a pohlavním dimorfismem u člověka a dalších druhů (Fincham a spol., 1991; Nakahori a spol., 1991; Gibson a spol., 1992).

Aminokyselinová sekvence amelogeninů vykazuje značný stupeň evoluční konservace (Hu a spol., 1996), přičemž nejdéle identifikovaná sekvence byla nalezena u morče (Černý a Hammarström, 1998). Úplný otevřený čtecí rámec nukleotidové sekvence u tohoto druhu kóduje 226 aminokyselin včetně signálního peptidu, nejkratší sestřihová varianta je pak dlouhá pouhých 59 aminokyselin (tab. 1). Výjimečné vlastnosti s nízkým stupněm evoluční konservace vykazuje amelogeninový exon 4 (Hu a spol., 1997a). Dosud známé aminokyselinové sekvence amelogeninu jsou prezentovány na obrázku 1.

Názory na předpokládanou funkci amelogeninů se měnily od kalciových chelátorů (Glimscher, 1979) přes inhibitory růstu krytalů (Doi a spol., 1984; Aoba spol., 1987 b) po regulátory krystalového růstu a jejich orientace (Fearnhead, 1979; Aoba a spol., 1989; Robinson a spol., 1989). Poslední předpokládaná funkce je podpořena experimenty s „antisense“ oligonukleotidy (Diekwißch a spol., 1993) a s ribozymy (Lyngstadaas a spol., 1996), s jejichž pomocí byla zablokována translace amelogeninové mRNA. Důležitost amelogeninu je demonstrována onemocněním *amelogenesis imperfecta*, u něž byly identifikovány mutace uvnitř amelogeninového genu na X-chromozomu (Lagerström-Fermer a spol., 1995).

Enamelin

Enamelin byl dříve názvem pro všechny neamelogeninové komponenty vyvíjející se emailové matrix (Termine a spol., 1980), avšak nyní byl klonován specifický genový produkt, byl izolován a rovněž sekvenován jako protein (Fukae a spol., 1996). Enameliny byly lokalizovány imunohistochemicky v jádruch prizmat společně s amelogeninou (Uchida a spol., 1991), jsou fosforylovány a glykosylovány (Fukae a spol., 1996). Vzhledem k amelogeninům jsou enameliny podstatně větší, kyselejší a více hydrofilní. Enameliny jsou rovněž procesované bílkoviny. Nascentní 150 kD prekursor je přeměňován na 89 kD a 65 kD druhy a konečně na 32 kD molekuly se silnou afinitou k apatitu (Tanabe a spol., 1990). Detailní role enamelinů není jasná.

Ameloblastin/amelin/sheathlin

Jde o trojici názvů pro nepochybňně tentýž protein. Byl objeven simultánně dvěma výzkumnými skupinami v cDNA knihovnách, připravených ze Zubů potkaních mláďat (Černý a spol., 1996; Krebsbach a spol., 1996). Třetí skupina popsala odpovídající protein v prasečí sklovině (Hu a spol., 1997 b). Nyní je rovněž k dispozici myší cDNA sekvence (v databázi) a morče sekvence (Černý a spol., 1998). Tento protein je produkovaný v ameloblastech, avšak ve srovnání s amelogeninem je ameloblastin exprimován

Tab. 1. Composition of individual splicing variants of guinea-pig amelogenin.

Tab. 1. Složení jednotlivých sestřihových variant morče amelogeninu.

Exon	Počet nukleotidů	Počet aminokys.	AG226	AG212	AG187	AG65
1+2	106	18	+	+	+	+
3	48	16	+	+	+	+
4	42	14	+	0	0	0
5	45	15	+	+	+	+
6a	75	25	+	+	0	0
6b	336	112	+	+	+	0
6c	75	25	+	+	+	+
7	158	1	+	+	+	+

Four variants are marked with symbol AG (amelogenin) and with the number of amino acids (AG 65 – AG 226). Given lengths include the signal peptide (16 amino acids).

Čtyři varianty jsou označeny symbolem AG (amelogenin) a číslem udávajícím počet aminokyselin (AG 65 – AG 226). Uvedené délky jsou včetně signálního peptidu (16 aminokyselin).

v časově delším rozsahu, tj. od presekrení fáze do pozdní matu-rační fáze vývoje ameloblastů (Lee a spol., 1996; Fong a spol., 1996). Navíc, vedle exprese v ameloblastech je ameloblastinová mRNA detegována i v epiteliálních kořenových pochvách (Fong a spol., 1996) a dokonce v preodontoblastech a časných odontoblastech ještě před tím, než nastane masivní produkce v ameloblastech (Fong a spol., 1998). Tento nález naznačuje možnou úlohu ameloblastinu v epiteliálně-mesenchymových interakcích, zvláště když v aminokyselinové sekvenci ameloblastinu potkaná byly identifikovány domény pro vazbu na buněčný povrch (Černý a spol., 1996). Na druhé straně absence stejných domén u jiných druhů (Hu a spol., 1997 b; Černý a spol., 1998) zpochybňuje tuto hypotézu. Rovněž ameloblastin prochází „processingem“ v emailové matrix. Při sledování vývoje potkaního řezáku byly detegovány komponenty o velikostech od 65 kD až po 25 kD (Uchida a spol., 1997). Každá z popsaných sekvencí ameloblastinu vykazuje 2 splicingové varianty (Černý a spol., 1996; Hu a spol., 1997 b; Černý a spol., 1998), i když ne u všech druhů jde o totéž místo v sekvenci (Černý a spol., 1998). Přehled dosud stanovených ameloblastinových sekvencí a míst jejich alternativního splicingu je na obrázku 2.

Vedle toho se další skupině autorů podařilo izolovat lidský genomový klonus, který byl mapován a výsledek naznačuje možnou účast poruch i tohoto proteinu v etiologii *amelogenesis imperfecta* (MacDougall a spol., 1997).

Tuftelin

Tuftelin je další specifický protein produkovaný v raném stadiu vývoje skloviny. Byl nejprve detegován jako cDNA klonus isolovaný z boviného emailu (Deutsch a spol., 1991) a později také nalezen v myším embryu (Zeichner-David a spol., 1997). Tuftelinové transkripty byly detegovány v proliferujícím vnitřním epitelu po 13 dnech embryonálního vývoje myší, což je ve stadiu pupenu vývoje zuba. Předpokládaná funkce tuftelinu a dalších

	1	50
humanX	MGTWILFACL LGAAFAMP LP PHPGHPGYIN FSYE NSHSQA INVDRTAL VL	
humanY	MGTWILFACL VGAAFAMP LP PHPGHPGYIN FSYE NSHSQA INVDRTAL VL	
bovineX	MGTWILFACL LGAAFSMP LP PHPGHPGYIN FSYE VL	
bovineY	MGTWILFACL LGAAYSMP LP PHPGHPGYIN FSYE VL	
porcine	MGTWILFACL LGAAFSMP LP PHPGHPGYIN FSYE VL	
hamster	~~~~~ ~~~~~MP LP PHPGSPGYIN LSYE KSHSQA INTDRTAL VL	
mouse-rat	MGTWILFACL LGAAFAMP LP PHPGSPGYIN LSYE KSHSQA INTDRTAL VL	
guinea-pig	MGTWILFACL LGTAFAMP LP PHPGHPGYIN FSYE KSHSNA INIDRTAL VL	
opossum	~~~~~ ~~~~~IP LP PHPGHPGYIN FSYE VL	
	2 ⊥ 3	3 ⊥ 4
		4 ⊥ 5
	51	100
humanX	TPLKWKYQS.I RPP YPSYGYE PMGGWLHHQI IPVLSQQHPP TH.TLQPHHH	
humanY	TPLKWKYQSMI RPP YSSYGYE PMGGWLHHQI IPVVSQQHPL TH.TLQSHHH	
bovineX	TPLKWKYQSMI RHP YPSYGYE PMGGWLHHQI IPVVSQQTPQ NH.ALQPHHH	
bovineY	TPLKWKYQNML RYP YPSYGYE PVGGWLHHQI IPVVSQQSPQ NH.ALQPHHH	
porcine	TPLKWKYQNMI RHP YTSYGYE PMGGWLHHQI IPVVSQQTPQ SH.ALQPHHH	
hamster	TPLKWKYQSMI RQP YPSYGYE PMGGWLHHQI IPVLSQQHPP SH.TLQPHHH	
mouse-rat	TPLKWKYQSMI RQP YPSYGYE PMGGWLHHQI IPVLSQQHPP SH.TLQPHHH	
guinea-pig	TPLKWKYQSMI RQP YPSYGYE SMGGWVHHQV IPVLSQQHPP SHTTLPPHHH	
opossum	TPLKWKYQSMM RQQ YPSYGYE PMGGWLHHQI IPVLSQQHSP SH.SLPPQHH	
	5 ⊥ 6	
	101	150
humanX	IPVVPAAQQPV IPQQPMMMPVP GQHSMTPIQH HQPNLPPPAAQ QPYQPQPV.Q	
humanY	IPVVPAAQQPR VRQQALMPVP GQQSMTPTQH HQPNLPLPAQ QPFQPQPV.Q	
bovineX	IPMVPAQQPV VPQQPMMMPVP GQHSMTPTQH HQPNLPLPAQ QPFQPQSI.Q	
bovineY	NPMVPAQQPV VPQQPMMMPVP GQHSMTPIQH HQPNLPLPAQ QSFQPQPI.Q	
porcine	IPMVPAQQPG IPQQPMMMPLP GQHSMTPTQH HQPNLPLPAQ QPFQPQPV.Q	
hamster	LPVVPAAQQPV APQQPMMMPVP GHHSMTPTQH HQPNIPPSAQ QPFQ.QPF.Q	
mouse-rat	LPVVPAAQQPV APQQPMMMPVP GHHSMTPTQH HQPNIPPSAQ QPFQ.QPF.Q	
guinea-pig	IPVGPAQQPV VPQQPLMPVP GHHSMTPNQH HQPNLPPTSQ QPFQ.QPF.P	
opossum	IPIMAAQQPA PPQQPVMPVP GQHPMAPTQH HQPNLPQPGQ QPYQPQPAQQ	
	151	200
humanX	PQPH.....QPMQPQPPP V HPMQPLPPQP	
humanY	PQPH.....QPMQPQPPP V QPMQPLLPQP	
bovineX	PQPHQPLQPH QPL..... Q PMQPMQPLQP LQPLQPQPPP V HPIQPLPPQP	
bovineY	PQPH.....QPLQPQPPP V HPIQRLLPPQP	
porcine	PQPH.....QPLQPQSPM HPIQPLLPQP	
hamster	PQP.ISPQSHQPMQPQSPSPL HPMQPLAPQP	
mouse-rat	PQA.IPPQSHQPMQPQSPSPL HPMQPLAPQP	
guinea-pig	TQP.VQPQHH QPI..... Q PIQPIQPIQP IQPIQPKSPL HPIQPLPPQQ	
opossum	PQPHQPIQPI QPIQPIQPMQ PMQPMQPMQP MQPMQPQTPV HAVLPLPPQP	
	201	235
humanX	PLPPMFPMQP LPPMLPDLT EAWPSTDKTK REEV D	
humanY	PLPPMFPLRP LPPILPDHL EAWPATDKTK QEEV D	
bovineX	PLPPIFPMQP LPPMLPDLP EAWPATDKTK REEV D	
bovineY	PLPPIFPMQP LPPVLPDLP EAWPATDKTK REEV D	
porcine	PLPPMFSMOS L...LPDLPL EAWPATDKTK REEV D	
hamster	PLPPIFLSMQP LSPILPELPL EAWPATDKTK REEV D	
mouse-rat	PLPPIFLSMQP LSPILPELPL EAWPATDKTK REEV D	
guinea-pig	ALPPMFMSMQP IAPLLPDLP EAWPATDKTK REEV D	
opossum	PLPPMFPMQP MSPMLPD..M EAWPATDKTK REEV D	
	6 ⊥ 7	

Fig. 1. Amino acid alignment of amelogenins. The exon junctions are indicated with spacers and numbers.

Obr. 1. Porovnání aminokyselinových sekvencí amelogeninů. Rozhraní jednotlivých exonů jsou označena značkami a čísly.

			50
mouse	MSASKIPLFK	MKG LIL FLSL	VKMSLAVPAF PQQPGAQGMA PPGMASLSLE
rat	MSASKIPLFK	MKG LLL FLSL	VKMSLAVPAF PQQPGAQGMA PPGMASLSLE
guinea-pig	MSPSKIPLFK	MKD MLM FLSL	LKISFAVPAF PQQPGAPNMA PPGMASLSLE
pig	MPALKIPLFK	M KDMV LILCL	LKMSSAVPAF PRQPGT.... .PGVASLSLE
		51	100
mouse	TMRQLGSLQG	LNALSQYSRL	GFGKALNSLW LHGLLPPHNS FPWIGPREHE
rat	TMRQLGSLQG	LNALSQYSRL	GFGKALNSLW LHGLLPPHNS FPWIGPREHE
guinea-pig	TMRQLGSLQG	LNALSQYSRF	GFGKS LNSLW LQGLLPPPSS FPWLRLPREHE
pig	TMRQLGSLQG	LNMLSQYSRF	GFGKS FNSLW MHGLLPPHSS FQWMRPREHE
		101	150
mouse	TQQ.....PS	LQPHQPGLKP FLQPTAATGV QVTPQKPGPQ
rat	TQQYEYSLPV	<u>HPPPLPSQPS</u>	LQPHQPGLKP FLQPTAATGV QVTPQKPGPH
guinea-pig	TQQYEYSPV	<u>HPPPLPSQPS</u>	QQPPQPGMKH FQQPTATPAI QDTPQKAGPQ
pig	TQQYEYSLPV	<u>HPPPLPSQPS</u>	LQPOQQPGQKP FLQPTVVTSI QNPVQKGVPQ
		151	200
mouse	PPMHPGQLPL	QE GELI APDE	PQVAPSENPP TPEVPIMDFA DPQFPTVFQI
rat	PPMHPGQLPL	QE GELI APDE	PQVAPSENPP TPEVPIMDFA DPQFPTVFQI
guinea-pig	PPMHP RQL PL	KDAELPEAHE	.QVAPTEM PL NPELPVLDFA DPQIPS V FQI
pig	PIYQGH PP PL	QQVEGP MVQQ	.QVAPSEKPP EAELPGLDFA DPQDPSMFPI
		201	250
mouse	ARSISRGPM A	HNKASAFY PG	MFYMSY GANQ LNAP.ARIGF MSSEEMPGER
rat	AHSLSRGPM A	HNKVPTF Y PG	MFYMSY GANQ LNAP.ARIGF MSSEEMPGER
guinea-pig	ARFVS RVP VP	QNKPAMLY PG	MVYMSY GTNQ LSAPAARLG F MSSEEMPGR
pig	ARLISQGPVP	QDKPSPLY PG	MFYMSY GANQ LNSPA.RLGI LSSEEMAGGR
		251	300
mouse	GSPMAYGTLF	PRFGGFRQTL	RRLNQN NSPK G GDFTVEVDSP VS VTKG PEKG
rat	GSPMAYGTLF	PGYGGFRQTL	RGLNQN NSPK G GDFTVEVDSP VS VTKG PEKG
guinea-pig	VAPVTYGG LL	PGLTGV RHTI	RRVPQ DPTM A GDFTLEFD TP .AATKGPEKG
pig	GGPLAYGAMF	PGFGGMRPNL	GGMPPNSAKG GDFTLEFD SP AAGTKGPEKG
		301	350
mouse	E.GPEGS P IQ	EANPGKRENP	ALLSQMAPGA HAGLLA FPND HIPSMARGPA
rat	E.GPEGS P IQ	EASPDKGENP	ALLSQMAPGA HAGLLA FPND HIPNMARGPA
guinea-pig	EGGAQGS P LI	ETKG EDPEN A	ALLSQIA PG A HTGLFGFPND NVPSMARGPS
pig	EGGAEG GP VA	EANTADPESP	ALFSEVAS GV LGGLLANPKG KIPNLARGPA
		351	400
mouse	G..QRLLGVT	PAAADPLITP	ELAEVYETYG ADVTTPLG.D GEATMDITMS
rat	G..QRLLGVT	PAAADPLITP	ELAEVYETYG ADVTTPLG.D GEATMDITMS
guinea-pig	GHRNRPLEVT	PVTADPLITP	ELAEIYETYG GDVTTPL... GEATMETTMT
pig	GRSRGPPGVT	PADADPLMTP	GLADAYETYG ADETTLGLQ EEMTDSTAT
		401	428
mouse	PDTQQPLLPG	NK VHQ PQ.VH	NAWRFQEP (407 aminokyselin)
rat	PDTQQPPMPG	NK VHQ PQ.VH	NAWRFQEP (422/407 aminokyselin)
guinea-pig	PDT PQT PPMPG	NKVRQ PQM VH	EPWHFQEP (423/407 aminokyselin)
pig	PYSEHTSMPG	NKAQQPQ I KR	DAWRFQEP (421/406 aminokyselin)

Fig. 2. Amino acid alignment of ameloblastins. Alternatively spliced sequences are underlined.

Obr. 2. Porovnání aminokyselinových sekvencí ameloblastinů. Podtrženy jsou sekvence vykazující alternativní splicing.

anionických proteinů je možná nukleace při tvorbě apatitových krystalů, avšak přímý důkaz zatím neexistuje.

Ostatní proteiny sklovinné matrix

Ve vznikající sklovinné matrix byl detegován dentinový sialofosfoprotein (McDougall a spol., v tisku), který byl dosud považován za výhradně specifický pro dentin. Vedle toho byly v emailové matrix detegovány především sérové proteiny, jako albumin, fetuin, alfa₂-HS glykoprotein a gama-globuliny, přičemž není rozhodnuto, zda jde skutečně o normální součásti matrix, nicméně alespoň albumin je odstraněn v průběhu maturační fáze (Robinson a spol., 1994).

Proteolytické enzymy emailové matrix jsou nepochybou součástí matrix a patří jednak k metaloendoproteasám, jednak k serinovým proteasám (Woessner, 1997). Metaloproteasová aktivita se zdá být ve volně rozpustné formě a je omezena na sekreční stadium vývoje emailové matrix a patrně zabezpečuje specifikou úpravu proteinů (processing), kdežto serinové proteasy jsou aktivní během pozdní maturační fáze a mohou mít roli spíše v odstraňování všech zbyvajících proteinů, které eventuálně brání růstu anorganických krystalů. Zdá se, že dokonce existují proteasy specifické pro sklovinnou matrix, neboť se podařilo klonovat tzv. enamelysin (Bartlett a spol., 1996) a tzv. „enamel matrix serine protease-1“ (Simmer a spol., 1998).

Úloha proteinů při mineralizaci

Dnes je bez jakýchkoliv výhrad všeobecně přijat názor, že jsou to právě proteiny extracelulární matrix, které rozhodnou o rozsahu a způsobu mineralizace příslušné tkáně. V případě zubní skloviny nacházíme proteinové spektrum zcela odlišné od dentinu nebo kosti, rovněž tak i sklovinný minerál je odlišný, podstatně pevnější, s mimořádnou délkou prismat a velmi nízkým organickým obsahem. Jak ovšem tento minerál vzniká, není zcela jednoznačně vyjasněno. Předpokládá se, že nukleace minerálních krystalů probíhá v blízkosti dentino-emailového spojení, přičemž řada autorů doporučuje právě „svůj“ protein pro tuto funkci — např. dentinový sialofosfoprotein, tuftelin, v minulosti i amelogenin. Tato otázka není dosud rozhodnuta. Poněkud přesnější představa je o dalších fázích vývoje skloviny. Procesované proteiny (s převahou amelogeninu) vytvářejí agregáty s určitým obsahem kalcia a fosfátu a svoji přítomností omezují růst minerálních krystalů do stran, tj. usměrňují růst ve směru podélné osy. Jakmile však zasáhnou nespecifické serinové proteasy, většina proteinu je likvidována, končí jeho inhibiční role a krystaly nyní dokončí svůj růst bez omezení, tj. vyplní uvolněný prostor ve všech směrech. Podrobnější informace o tomto procesu shrnují přehledné články (Robinson a spol., 1998; Smith, 1998).

Závěrem je nutno připomenout, že je nanejvýš pravděpodobné, že výčet proteinů matrix zubní skloviny, ale i jiných mineralizovaných tkání, není ještě zdaleka úplný, stejně jako funkce již známých proteinů není přesně zjištěna. Proto lze další pokrok v tématice mineralizované tkáně očekávat především od nálezu dosud neznámých proteinových struktur a od vynalézavých experimentů, jimiž se objasní jejich funkce.*

Literatura

- Aoba T., Tanabe T., Moreno E.C.:** Proteins in the enamel fluid of immature porcine teeth. *J. Dent. Res.*, 66, 1987 a, s. 1721—1726.
- Aoba T., Fukae M., Tanabe T., Shimizu M., Moreno E.C.:** Selective adsorption of porcine-amelogenins onto hydroxyapatite and their inhibitory activity on hydroxyapatite growth in supersaturated solutions. *Calcif. Tissue Int.*, 41, 1987 b, s. 281—289.
- Aoba T., Moreno E.C., Kresak M., Tanabe T.:** Possible roles of partial sequences at N- and C-terminal of amelogenin in protein-enamel mineral interaction. *J. Dent. Res.*, 68, 1989, s. 1331—1336.
- Bartlett J.D., Simmer J.P., Xue J., Margolis H.C., Moreno E.C.:** Molecular cloning and mRNA tissue distribution of a novel matrix metalloproteinase isolated from porcine enamel organ. *Gene*, 183, 1996, s. 123—128.
- Brookes S.J., Robinson C., Kirkham J., Bonass W.A.:** Biochemistry and molecular biology of amelogenin proteins of developing enamel. *Arch. Oral Biol.*, 40, 1995, s. 1—14.
- Černý R., Slaby I., Hammarström L., Wurtz T.:** A novel gene expressed in rat ameloblasts codes for proteins with cell binding domains. *J. Bone Miner. Res.*, 11, 1996, s. 883—891.
- Černý R., Hammarström L.:** Cloning, cDNA sequence, and alternative splicing of guinea-pig amelogenin mRNAs. 6th International Conference on the Chemistry and Biology of Mineralized Tissue, Vittel, France, November 1—6, 1998.
- Černý R., Balvín M., Černá E.:** Cloning and cDNA sequence of guinea-pig ameloblastin mRNAs. *Chem. Papers*, 52, 1998, s. 261.
- Diekwiß T., David S., Bringas P., Santos V., Slavkin H.C.:** Antisense inhibition of AMEL translation demonstrates supramolecular controls for enamel HAP crystal growth during embryonic mouse molar development. *Development*, 117, 1993, s. 471—482.
- Deutsch D., Palmon A., Fischer L.W., Kolodny A., Termine J.D., Young M.F.:** Sequencing of bovine enamelin („Tuftelin“) a novel acidic enamel protein. *J. Biol. Chem.* 266, 1991, s. 16 021—16 028.
- Doi Y., Eanes E.D., Shimokawa H., Termine J.D.:** Inhibition of seeded growth of enamel apatite crystals by amelogenin and enamelin proteins in vitro. *J. Dent. Res.*, 63, 1984, s. 98—105.
- Eisenmann D.R.:** Amelogenesis and enamel structure. S. 218—256. In: Ten Cate A.R. (Ed.): *Oral Histology*. St. Louis, Missouri, USA, Mosby 1994.
- Fearnhead R.W.:** Matrix-mineral relationship in enamel tissues. *J. Dent. Res.*, 58B, 1979, s. 909—916.
- Fincham A.G., Belcourt A.B., Termine J.D.:** Changing patterns of enamel matrix proteins in the developing bovine tooth. *Caries Res.*, 16, 1982, s. 64—71.
- Fincham A.G., Bessem C.C., Lau E.C., Pavlova Z., Shuler C., Slavkin H.C., Snead M.L.:** Human developing enamel proteins exhibit a sex-linked dimorphism. *Calcif. Tissue Int.*, 48, 1991, s. 288—290.
- Fincham A.G., Moradian-Olak J.:** Recent advances in amelogenin biochemistry. *Connect. Tissue Res.*, 32, 1995, s. 119—124.
- Fong C.D., Slaby I., Hammarström L.:** Amelin: an enamel-related protein transcribed in the cells of epithelial root sheath. *J. Bone Miner. Res.*, 11, 1996, s. 892—898.
- Fong C.D., Černý R., Hammarström L., Slaby I.:** Sequential expression of an amelin gene in mesenchymal and epithelial cells du-

*Experimentální část této práce byla podpořena grantem č. 3735-3 OK10 IGA Ministerstva zdravotnictví ČR.

- ring odontogenesis in rats. *Europ. J. Oral. Sci.*, 106, 1998, Suppl. 1, s. 324—330.
- Fukae M., Tanabe T., Ijiri H., Shimizu M.:** Studies on porcine enamel proteins: A possible original enamel protein. *Tsurumi Univ. Dent. J.*, 6, 1980, s. 87—94.
- Fukae M., Tanabe T., Murakami C., Dohi N., Uchida T., Shimizu M.:** Primary structure of the porcine 89 kDa enamelin. *Adv. Dent. Res.*, 10, 1996, s. 111—118.
- Gibson C.W., Golub E., Ding W., Shimokawa H., Young M., Termine J., Rosenblom J.:** Identification of the leucine-rich amelogenin peptide (LRAP) as the translation product of an alternatively spliced transcript. *Biochem. Biophys. Res. Comm.*, 174, 1991, s. 1306—1312.
- Gibson C.W., Golub E.E., Abrams W.R., Shen G., Ding W., Rosenblom J.:** Bovine amelogenin message heterogeneity: alternative splicing and Y-chromosomal gene transcription. *Biochemistry*, 31, 1992, s. 8384—8388.
- Glinscher M.J.:** Phosphopeptides of enamel. *J. Dent. Res.*, 58B, 1979, s. 790—806.
- Hu C.C., Yhang C., Quian Q., Ryu O.H., Moradie-Oldak J., Fincham A.G., Simmer J.P.:** Cloning, DNA sequence, and alternative splicing of opossum amelogenin mRNAs. *J. Dent. Res.*, 75, 1996, 1728—1734.
- Hu C.C., Ryu O.H., Quian Q., Zhang C.H., Simmer J.P.:** Cloning, characterization, and heterologous expression of exon-4-containing amelogenin mRNAs. *J. Dent. Res.*, 76, 1997 a, s. 641—647.
- Hu C.C., Fukae M., Uchida T., Qian Q., Zhang C.H., Ryu O.H., Tanabe T., Yamakoshi Y., Murakami C., Dohi N., Shimizu M., Simmer J.P.:** Sheathlin: cloning, cDNA/polypeptide sequences, and immunolocalization of porcine enamel sheath proteins. *J. Dent. Res.*, 76, 1997 b, s. 648—657.
- Krebsbach P.H., Lee S.K., Matsuki Y., Kozak C.A., Yamada K.M., Yamada Y.:** Full-length sequence, localization, and chromosomal mapping of ameloblastin. *J. Biol. Chem.*, 271, 1996, s. 4431—4435.
- Lagerström-Fermer M., Nilsson M., Backman B., Salido E., Shapiro L., Petterson U., Landegren U.:** Amelogenin signal peptide mutation: correlation between mutations in the amelogenin gene (AMGX) and manifestations of X-linked amelogenesis imperfecta. *Genomics*, 26, 1995, s. 159—162.
- Lau E.C., Simmer J.P., Bringas P., Hsu D., Hu C.C., Zeichner-David M., Thiemann F., Snead M.L., Slavkin H.C., Fincham A.G.:** Alternative splicing of the mouse amelogenin primary mRNA transcript contributes to the amelogenin heterogeneity. *Biochim. Biophys. Res. Commun.*, 188, 1992, s. 1253—1260.
- Lee S.K., Krebsbach P.H., Matsuki Y., Nanci A., Yamada K.M., Yamada Y.:** Ameloblastin expression in rat incisors and human tooth germs. *Int. J. Dev. Biol.*, 40, 1996, s. 1141—1150.
- Linde A., Goldberg M.:** Dentinogenesis. *Crit. Rev. Oral Biol. Med.*, 4, 1993, s. 679—728.
- Lyngstadaas S.P., Risnes S., Sproat B.S., Thrane P.S., Prydz H.P.:** A synthetic, chemically modified ribozyme eliminates amelogenin, the major translation product in developing mouse enamel in vivo. *EMBO J.*, 14, 1996, s. 5224—5229.
- MacDougall M., DuPont B.R., Simmons D., Reus B., Krebsbach P., Karrman C., Holmgren G., Leach R.J., Forsman K.:** Ameloblastin gene (AMB) maps within the critical region for autosomal dominant amelogenesis imperfecta at chromosome 4q21. *Genomics*, 41, 1997, s. 115—118.
- MacDougall M., Gul T.T., Simmons D., Luan X., Cavender A., D'Souza R.N.:** Dentin sialophosphoprotein: an enamel matrix protein? *Connect. Tissue Res.*, v tisku.
- Nakahori Y., Takenaka O., Nakagome Y.:** A human X-Y homologous region encodes amelogenin. *Genomics*, 9, 1991, s. 264—269.
- Robinson C., Kikham J., Shore R.C.:** Extracellular processing of enamel matrix and origin and function of tuft protein. S. 59—68. In: Fearhead R.W. (Ed.): *Tooth Enamel*. Yokohama, Florence Publishers 1989.
- Robinson C., Kirkham J., Brookes S.J., Shore R.C., Bonass W.A.:** Uptake and metabolism of albumin by rodent incisor enamel in vivo and post mortem: implication for control of mineralisation by albumin. *Calcif. Tissue Int.*, 55, 1994, s. 467—472.
- Robinson C., Brookes S.J., Shore R.C., Kirkham J.:** The developing enamel matrix: nature and function. *Europ. J. Oral Sci.*, 106, 1998, Suppl. 1, s. 282—291.
- Simmer J.P., Hu C.C., Lau E.C., Slavkin H.C., Fincham A.G.:** Alternative splicing of the mouse amelogenin primary RNA transcript. *Calcif. Tissue Int.*, 55, 1994, s. 302—310.
- Simmer J.P., Fukae M., Tanabe T., Yamakoshi Y., Uchida T., Xue J., Margolis H.C., Shimizu M., DeHart B.C., Hu C.C., Bartlett J.D.:** Purification, characterization, and cloning of enamel matrix serine protease 1. *J. Dent. Res.*, 77, 1998, s. 377—386.
- Smith C.E.:** Cellular and chemical events during enamel maturation. *Crit. Rev. Oral Biol. Med.*, 9, 1998, s. 128—161.
- Tanabe T., Aoba T., Moreno E.C., Fukae M., Shimizu M.:** Properties of phosphorylated 32 kDa nonamelogenin proteins isolated from porcine secretory enamel. *Calcif. Tissue Int.*, 46, 1990, s. 205—215.
- Termine J.D., Belcourt A.B., Christner P.J., Conn K.M., Nylen M.U.:** Properties of dissociatively extracted fetal tooth matrix proteins. I. Principle molecular species in developing bovine enamel. *J. Biol. Chem.*, 255, 1980, s. 9760—9768.
- Uchida T., Tanabe T., Fukae M., Shimizu M., Yamada M., Miake K., Kobayashi S.:** Immunochemical and immunohistochemical studies, using antisera against porcine 25 kDa amelogenin, 89 kDa enamelin and the 13—17 kDa nonamelogenins, on immature enamel of the pig and rat. *Histochemistry*, 96, 1991, s. 129—138.
- Uchida T., Murakami C., Dohi N., Wakida K., Satoda T., Takahashi O.:** Synthesis, secretion, degradation, and fate of ameloblastin during the matrix formation stage of the rat incisor as shown by immunocytochemistry and immunochemistry using region specific antibodies. *J. Histochem. Cytochem.*, 45, 1997, s. 1329—1340.
- Woessner J.F.:** Matrix proteinases. In: *Enamel 6*, Lake Arrowhead, California, May 11—15, 1997.
- Zeichner-David M., Vo H., Tan H., Diekwißch T., Berman B., Thiemann F., Alcocer M.D., Hsu P., Wang T., Eyna J., Caton J., Slavkin H.C., MacDougall M.:** Timing of the expression of enamel gene products during mouse tooth development. *Int. J. Dev. Biol.*, 41, 1997, s. 27—38.

Received November 2, 1999.

Accepted April 7, 2000.